

Seznam vyšetřovaných genů u HAE s normálním C1 inhibitorem

V uvedených genech jsou analyzovány kódující exony a přilehlé intronové oblasti v rozsahu 20 bp.

ANGPT1 CPN1 DAB2IP F12 HS3ST6 KNG1 MYOF PLG*

*Akreditovaná metoda dle: SOPA-GL-06